



Rhelixa

Decoding Life, Creating Future

— Decoding Life, Creating Future —

エピゲノム解析のリーディングカンパニー

○ 事業内容

1. エピジェネティクス研究の受託およびコンサルティング
2. エピゲノムデータを活用した検査・事業開発

○ 事業パートナー

三菱商事株式会社、損害保険ジャパン日本興亜株式会社
株式会社リバネス、サイオス株式会社、東京大学、筑波大学 等

○ 設立

2015年2月

○ ライフサイエンスの現状

- ✓ 解析ツールはNGSがスタンダードに
- ✓ 全ゲノム解析×エピゲノム解析の時代

○ 研究現場が抱えている課題

- ✓ エピゲノム研究に興味はあるが、期待通りの結果が出るか不安
- ✓ エピゲノムデータを取得したが、適切な解析手順が分からない
- ✓ エピゲノムデータを解析したが、結果の解釈が十分でない
- ✓ エピゲノムデータを持っているが、解析するリソースが不足

○ レリクサなら

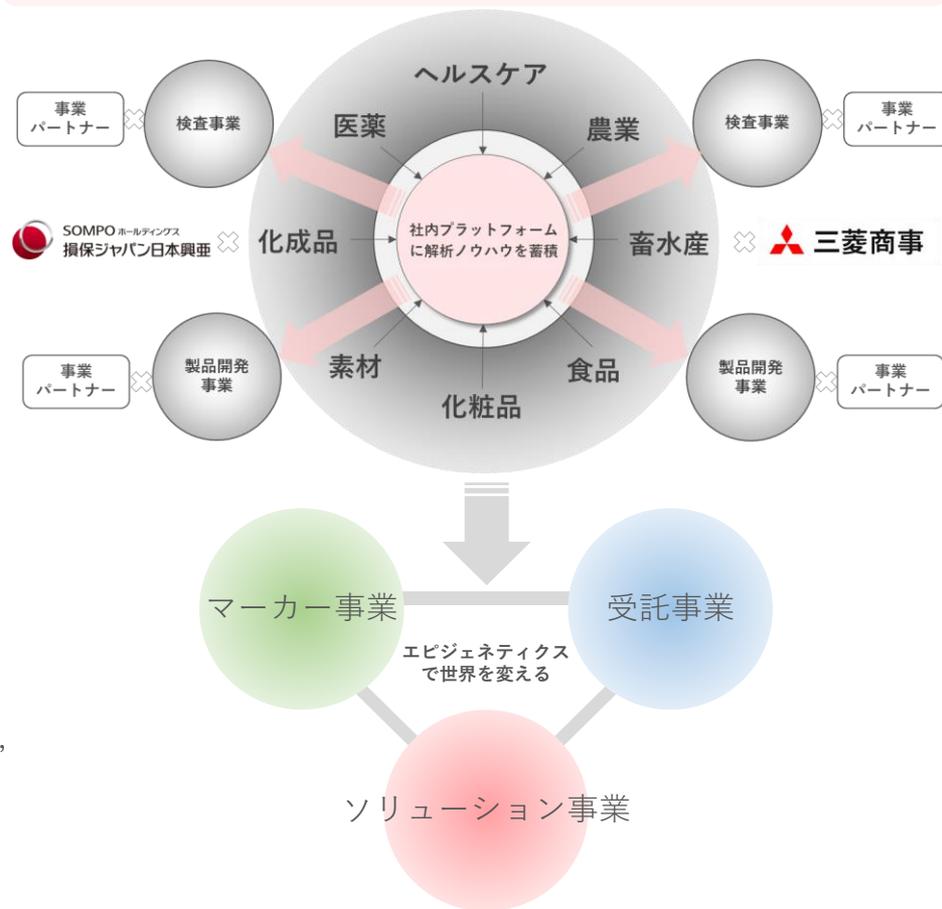
- ✓ NGS研究の疑問を解消、エピジェネティクスの知識ゼロでもOK
- ✓ 研究目的の事前ヒアリング・ディスカッションが無料
- ✓ 情報解析結果に対して丁寧な解釈付けを実施、知識・仮説を導出
- ✓ 複数のレイヤーを跨いだデータの複合統合解析を実施
- ✓ 信頼できる国外提携機関でNGSデータ取得も安価で提供

○ キーワード

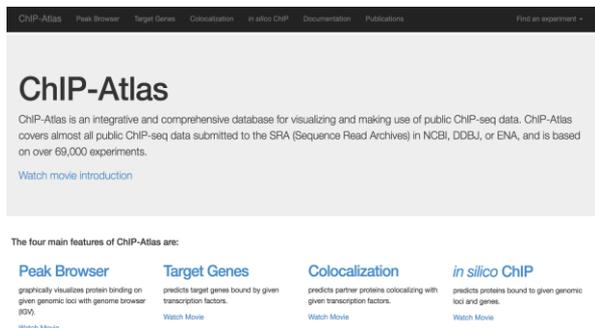
エピジェネティクス, エピゲノム解析, 複合統合解析, 因子の絞り込み,
細胞変化のメカニズム解明, DNAメチル化マーカー策定,
パイプライン構築, アルゴリズム構築, パスウェイマップ読解
計算生物学(Computational Biology), バイオインフォマティクス

○ 事業方針

エピゲノム解析によるソリューション提案型営業を展開しながら
解析ノウハウの蓄積、パートナーリングを前提とした事業開発を行う



当社支援実績 – 2018年度は4つの国際誌で共同研究論文を発表しました



『ChIP-Atlas: a data-mining suite powered by full integration of public ChIP-seq data.』 *EMBO Rep.* 2018 Nov 9. pii: e46255. doi: 10.15252/embr.201846255.

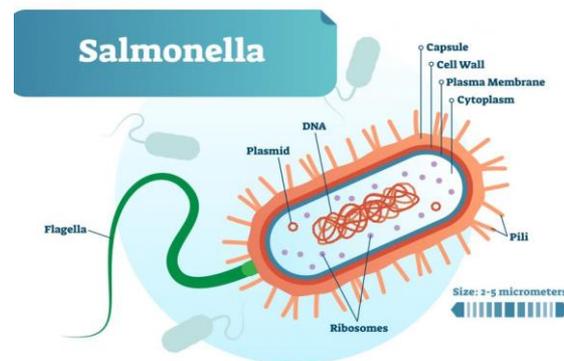
👉 当社のサポート

- ▶ 転写因子の共結合を予測するアルゴリズムを開発しました。
- ▶ 公共ChIP-seqデータをキュレーションするシステムを開発しました。

『Diminished nuclear RNA decay upon Salmonella infection upregulates antibacterial noncoding RNAs』 *EMBO J.* 2018 Jul 2;37(13). pii: e97723. doi: 10.15252/emboj.201797723. Epub 2018 Jun 7.

👉 当社のサポート

- ▶ サルモネラ菌に感染した細胞内での遺伝子変化を解析しました。
- ▶ 論文掲載用の図版を作成しました。



『Histone demethylase JMJD1A coordinates acute and chronic adaptation to cold stress via thermogenic phospho-switch』 *Nat Commun.* 2018 Apr 19;9(1):1566. doi: 10.1038/s41467-018-03868-8.

👉 当社のサポート

- ▶ ヒストン修飾酵素の機能を不活化させた細胞内での遺伝子変化を解析しました。
- ▶ 論文掲載用の図版を作成しました。

